AMENDMENTS TO THE SPECIFICATION

Please amend Table 4 on page 76 as follows:

Table 4: PCR Primers

Reference SNP ID	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
1056538	GACAGCCACAGCTAGCGCAGA	19	TGTTTTCGCCCCCCAGGGTGAC	20
1541998	CTGATTATTCTGATGGTAATG	21	GCCCATGTTAACATTTTCTTC	22
2001449	ATGTCAAGTGCACCCACATG	23	AGGAAGAAACTGACGGAAGG	24
673478	TAATACAAAGGTGGCAGCAG	25	TTGACAAGGATAAGGACAAG	26
4237	GCACATGGCCACATTAACTGG	27	TGGCTGTGGAAATTGGGTCTTG	28

Please amend Table 5 on page 77 as follows:

Table 5: Extend Primers

Reference SNP ID	Extend Probe	SEQ ID NO.	Term Mix
1056538	CCCAGGGTGACGTTGCAGA	29	ACG
1541998	ATTATTCTGATGGTAATGATCCAG	30	ACG
2001449	CACATGCCTGCTCGCCCCC	31	ACT
673478	AAGGGGAGGTCGACTGGG	32	ACT
4237	GGCATCTGGCAGTCATGG	33	ACT

Please amend Table 10 on pages 83-85 as follows:

Table 10

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
5498	ACGTTGGATGCTCACAGAGCACATTCACGG	34	ACGTTGGATGAGATCTTGAGGGCACCTACC	35
11115	ACGTTGGATGAGGTGACACCTTCCTCGAAG	36	ACGTTGGATGTGTGAAGCACCTCTTCTGAG	37
11115	ACGTTGGATGGTCCAGGTGACACCTTCCTC	38	ACGTTGGATGAAGCACCTCTTCTGAGCCAG	39
56901	ACGTTGGATGGTCCAGGTGACACCTTCCTC	40	ACGTTGGATGAAGCACCTCTTCTGAGCCAG	41
240914	ACGTTGGATGTTCAACAAGCGAGTGACAGC	42	ACGTTGGATGGGTGCAGAGATGGGCTTTCTC	43
254615	ACGTTGGATGTGTAGATGGTCACGTTCTCC	44	ACGTTGGATGATCTGAGTCCTGATGTCACC	45
254615	ACGTTGGATGTTGCAGCTTTAAGCTAAGGC	46	ACGTTGGATGAGCCCAGGAGACTTAATTAC	47
272539	ACGTTGGATGTACAGACCCCTCTACCCCTTC	48	ACGTTGGATGAGGTGACACCTTCCTCGAAG	49
281412	ACGTTGGATGTGACCTCAGGTGATTCACCC	50	ACGTTGGATGGGGTATACCTTTAGCTGGCTG	51
281413	ACGTTGGATGTCAAAGCTCACAGTTCTCGG	52	ACGTTGGATGACTTAGCGGGTCCTGCAAAC	53
281414	ACGTTGGATGAAGGCACCTTCCTCTGTCAG	54	ACGTTGGATGTGGGCCACAACACGGATGGTA	55

2

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
281415	ACGTTGGATGGCACAAAGAGCTAAGGTAGG	56	ACGTTGGATGGAATCCTGGATAGACAGTGG	57
281416	ACGTTGGATGTAACGTAGAGCACAGGTGAG	58	ACGTTGGATGCAACGCAAACACCAGTGTGG	59
281417	ACGTTGGATGAAGAGACAGTGGAGAGGCTG	60	ACGTTGGATGAGAGCCATCGGGTCCCAGCAA	61
281418	ACGTTGGATGTGCGCTCAGTCAGCTTCCTC	62	ACGTTGGATGAGTGTTAGCCGAGGGCAAGC	63
281420	ACGTTGGATGCCAGGACTGTCTCTCTGTTT	64	ACGTTGGATGATGACACTACAGCCTGAGCA	65
281421	ACGTTGGATGAGTGTTGCTTTGTCACCCAG	66	ACGTTGGATGAGGAGAATCGCTTGTACCTG	67
281422	ACGTTGGATGAGAAATCCTCCTACCTTGGC	68	ACGTTGGATGGCCCGGCCTCTACATAAAAT	69
281423	ACGTTGGATGAACCTCAAGCTGCTTCACTG	70	ACGTTGGATGGAGGAGCCCACCTTTAATGT	71
281424	ACGTTGGATGACCTGTGTTTCTAGGTGTGC	72	ACGTTGGATGCATGCCTGGGAAAAAACTCC	73
281426	ACGTTGGATGATCCTCACACCTCAGTCTCC	74	ACGTTGGATGAATGAGACTCCGTCTCTACC	75
281427	ACGTTGGATGGACAATTGTAGTACCCAGCC	76	ACGTTGGATGAGGAGAATCGCTTGAACCTG	77
281428	ACGTTGGATGAGTAGCTGGAATTACAGGCG	78	ACGTTGGATGGCCAACATGATGAAATCCCG	79
281431	ACGTTGGATGACTGGGATTACAGGTGTGAG	80	ACGTTGGATGGGAGAAATCTTGATGGAGGC	81
281432	ACGTTGGATGAGCTGGGACTTTCCTTCTTG	82	ACGTTGGATGCAGTAAATCCAGCCTTCAGC	83
281434	ACGTTGGATGCCACGCCTGGCTAATTTTTG	84	ACGTTGGATGGGTCAGGAGTTCAAGACCAG	85
281436	ACGTTGGATGCATGGTTCACTGCAGTCTTG	86	ACGTTGGATGTGTGGTGTTGTGAGCCTATG	87
281437	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	88	ACGTTGGATGAACACAAAGGAAGTCTGGGC	89
281437	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	90	ACGTTGGATGAACACAAAGGAAGTCTGGGC	91
281438	ACGTTGGATGACCTGAGGTTTCCTCACTCAG	92	ACGTTGGATGAGAGGTTTCTGTGACACCCG	93
281439	ACGTTGGATGGCGGAGCCATACCTCTAAGC	94	ACGTTGGATGTCGCTGGCACTTTCGTCCC	95
281440	ACGTTGGATGCTGGCTGAGATGCCATGATA	96	ACGTTGGATGATGGTGGGAGGAGCTAAATG	97
281440	ACGTTGGATGGCCATGATAATAAGCTGGAC	98	ACGTTGGATGTCTTAGTCCCCAAATGTATC	99
368835	ACGTTGGATGGGGTGGGAAAAAGACGTGAAG	100	ACGTTGGATGAGAGGGGAATTAAGGAGGTCC	101
378395	ACGTTGGATGAATTCCGTGGGATGAGGAAT	102	ACGTTGGATGACCGTGTTTTCCAGGCTCGCG	103
378395	ACGTTGGATGACTTGGCCCCCTGCACTCACA	104	ACGTTGGATGACCGTGTTTTCCAGGCTCGCG	105
430092	ACGTTGGATGGTTGGGATTACAGGCATGAG	106	ACGTTGGATGATCTGTTGCCTGTCAAGATG	107
473241	ACGTTGGATGGCCATGATAATAAGCTGGAC	108	ACGTTGGATGAAATGTATCCCCGCCCTAAG	109
547878	ACGTTGGATGTACTCAGGAGGCTGAGGTG	110	ACGTTGGATGCATGGTTCACTGCAGTCTTG	111
827786	ACGTTGGATGGCGGAGCCATACCTCTAAGC	112	ACGTTGGATGTCGCTGGCACTTTCGTCCC	113
827787	ACGTTGGATGCTGGCTGAGATGCCATGATA	114	ACGTTGGATGATGGTGGGAGGAGCTAAATG	115
885743	ACGTTGGATGTGAGAGAAGGCGATCTTGAC	116	ACGTTGGATGCCAATTCACAATCCACTGTG	117
885743	ACGTTGGATGTGAGAGAAGGCGATCTTGAC	118	ACGTTGGATGCCAATTCACAATCCACTGTG	119
892188	ACGTTGGATGGTTTGTTTTTAGAGACAGGG	120	ACGTTGGATGGGTCAAAGCCACTTCCAGCTA	121
901886	ACGTTGGATGCGATCTGGTCGCTCTGCAAG	122	ACGTTGGATGGCCCCACCTTCTGTTCCAAG	123
923366	ACGTTGGATGTCTGGGCAATGTTGCAAGAC	124	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	125
923366	ACGTTGGATGTCTGGGCAATGTTGCAAGAC	126	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	127
1045384	ACGTTGGATGGTGCAGAGATGGGCTTTCTC	128	ACGTTGGATGAGATGGGCACAATGTCCGAC	129
1056538	ACGTTGGATGACTGCCACAGCCACAGCTAG	130	ACGTTGGATGTTTTCGCCCCCCAGGGTGA	131
1057981	ACGTTGGATGGTACAACTGTACCTGGTGAC	132	ACGTTGGATGAATGAACATAGGTCTCTGGC	133
1058154	ACGTTGGATGTCCCTTCCATCCTCATTTTT	134	ACGTTGGATGTGCAAGGCGCTAAACAAAAC	135
1059840	ACGTTGGATGTCGGCCTGGCTCAGAAGAGG	136	ACGTTGGATGACCCCTACCCCACGCTACCCA	137
1059849	ACGTTGGATGGGAATGGATGCAGAAGCCCG	138	ACGTTGGATGAAGCTGAGGCCACAGGGAG	139
1059849	ACGTTGGATGAATGGATGCAGAAGCCCGTC	140	ACGTTGGATGATTCCACGGAGGAAGCTGAG	141
1333881	ACGTTGGATGATCAGCTCTACGCGATCTGG	142	ACGTTGGATGTTCAGGCCCCACCTTCTGTTC	143
1799969	ACGTTGGATGTCAACCTCTGGTCCCCCAGTG	144	ACGTTGGATGAGGGGACCGTGGTCTGTTC	145
1799969	ACGTTGGATGTTGCCATAGGTGACTGTGGG	146	ACGTTGGATGTCCTAGAGGTGGACACGCAG	147

3

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
2075741	ACGTTGGATGAAGATGCCAGTCCGTGGACC	148	ACGTTGGATGCTGGAGACCCAGTGTCTCTC	149
2228615	ACGTTGGATGGGGCAGATGGTGACAGTAAC	150	ACGTTGGATGTGGAACTCCCTCCAGTGTGA	151
2228615	ACGTTGGATGGGGCAGATGGTGACAGTAAC	152	ACGTTGGATGTGGAACTCCCTCCAGTGTGA	153
2230399	ACGTTGGATGAGCGGCAGTTACCATGTTAG	154	ACGTTGGATGTTCTTCCCCCATTGCTTCTG	155
2230399	ACGTTGGATGAGCGGCAGTTACCATGTTAG	156	ACGTTGGATGTTCTTCCCCCATTGCTTCTG	157
2278442	ACGTTGGATGGGTGATGGACATTGAGGGTG	158	ACGTTGGATGTCCCTTCTGTCTCCAACCC	159
2278442	ACGTTGGATGTCGTGGTGATGGACATTGAG	160	ACGTTGGATGAAGTCAATATGCGTCCCTTC	161
2291473	ACGTTGGATGAAGAGGCTATGTGGCAGATG	162	ACGTTGGATGAGGGTGAAGCTGGGTTTAAC	163
2304237	ACGTTGGATGTGGGCCAGAACTTCACCCTG	164	ACGTTGGATGAAGCAGCACCACCGTGAGG	165
2304240	ACGTTGGATGAATCTCAGCAACGTGACTGG	166	ACGTTGGATGACACGGTGATGTTAGAGGAG	167
2304240	ACGTTGGATGAATCTCAGCAACGTGACTGG	168	ACGTTGGATGACACGGTGATGTTAGAGGAG	169
2358581	ACGTTGGATGTAAGGCAGGAGGATGGAGTG	170	ACGTTGGATGGACAGAGTCTCACTCTGTCG	171
2358583	ACGTTGGATGAAGACGTGAAGAGACACACC	172	ACGTTGGATGAGAGGGAATTAAGGAGGTCC	173
2569693	ACGTTGGATGCTTGTTCTCGCGTGGATGTC	174	ACGTTGGATGTACTCAGCGTGTGTGAGCTC	175
2569702	ACGTTGGATGACCCTCCAGACCTTGAACCA	176	ACGTTGGATGACGTAACGCTAACGGTGGAG	177
2569702	ACGTTGGATGATACCCTACTCCTACTCTTC	178	ACGTTGGATGTCAAGGACGTAACGCTAACG	179
2569703	ACGTTGGATGTCAGGAAGCTCCCAGACAGA	180	ACGTTGGATGATAACCCTTGGACGCCGATC	181
2569703	ACGTTGGATGTTAGACGAAAAAGGCGCCAC	182	ACGTTGGATGTTGTCCCTGCATAACCCTTG	183
2569707	ACGTTGGATGTGAGCGTGGCAGGCGCCATG	184	ACGTTGGATGGGCGTGGCGCCCGTGCGCGT	185
2884487	ACGTTGGATGTGTGGCAAATGATGGAACAG	186	ACGTTGGATGCCAGAAGTTTGAGATCTGCC	187
2916060	ACGTTGGATGGGCGAGGTATCTGAGAGGG	188	ACGTTGGATGTACTCTGTCCCACTTCCGTC	189
3093029	ACGTTGGATGGGGCAGCTCTGATTGGATGTT	190	ACGTTGGATGCTCCACAGTTGTTTGGCCTC	191
3093030	ACGTTGGATGAGAGACCCAGAAGGTCATAG	192	ACGTTGGATGCCTCCCCCAAGAAAACATTG	193
3093032	ACGTTGGATGGGGCCACTTCTTCTGTAAGTC	194	ACGTTGGATGCATGAGGACATACAACTGGG	195
3093033	ACGTTGGATGAAAGCCTGGAATAGGCACAC	196	ACGTTGGATGTGCAGACAGTGACCATCTAC	197
3093035	ACGTTGGATGGGGAGACATAGCGAGATTCTG	198	ACGTTGGATGTAGAAAGCAGTGCGATCTGG	199
3176764	ACGTTGGATGAAATCGTTTGAACCCGGGAG	200	ACGTTGGATGGTTTTGAGACAGAGTCTCAC	201
3176766	ACGTTGGATGTTTCGGGCTGCAATGGTCCC	202	ACGTTGGATGTAACACCTCTCTCCTTGTGC	203
3176767	ACGTTGGATGCGGTCTCTGATGGATTCTAC	204	ACGTTGGATGAACAGGCCCCACCATTTAAC	205
3176768	ACGTTGGATGGAGAGGTGTTAAATGGTGGG	206	ACGTTGGATGGGAACATGAAGAAGTCCTGG	207
3176769	ACGTTGGATGTTCCTGTTTATGGCCAGACG	208	ACGTTGGATGGTCTGAACCTGATTGGAGAG	209
3181049	ACGTTGGATGATCTTCAGGGATGGTCACTC	210	ACGTTGGATGGACAAATACAAAGGGACAGG	211
3745261	ACGTTGGATGACACACAGCAGGGCATCCGT	212	ACGTTGGATGCGCAATCAATGCTTTCCACC	213
3745263	ACGTTGGATGTACATGAAGAAGGACTCGGC	214	ACGTTGGATGATCCGTCCAGTGCACGTAGA	215
3745264	ACGTTGGATGCAAAGTGCTAGGATCACAGG	216	ACGTTGGATGACTGCCCCATAGAGTGGCAA	217
FCH-0994	ACGTTGGATGTTTTCGCCCCCCCAGGGTGAC	218	ACGTTGGATGACAGCCACAGCTAGCGCAGA	219

Please amend Table 11 on pages 85-87 as follows:

Table 11

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
5498	CAGAGCACATTCACGGTCACCT	220	CGT
11115	AAGGGTGGGCGTGGGCCT	221	ACT
11115	AAGGGTGGGCGTGGGCCT	222	ACT
56901	AAGGGTGGGCGTGGGCCT	223	ACT
240914	ACAATGTCCGACTCCCACA	224	ACT
254615	CCAGGGTGACGTTGCAGA	225	ACG
254615	TAAGGCAAAGTTCAGCTACTTA	226	CGT
272539	ACCCCGTACCACTGTTGA	227	CGT
281412	GCTGGGATTATAAGCGTG	228	ACT
281413	GCTCACAGTTCTCGGCAGGAC	229	ACG
281414	CCTTCCTCTGTCAGAATGGC	230	ACG
281415	GGTGATTTGGGGACAGCTGA	231	ACT
281416	GGTCCACACCGACGCCAG	232	ACT
281417	CCCCTGCCCAGGACACCCC	233	ACT
281418	TCAGCTTCCTCCCTCCCC	234	ACT
281420	ACTGTCTCTCTGTTTTTGAGAT	235	ACT
281421	GCTTTGTCACCCAGGCTGGA	236	ACT
281422	CTGGGGAACTACAGGAATGC	237	ACT
281423	GCCCACCCTCCATTCAGC	238	ACG
281424	TAGGTGTGCGTGTGTGTG	239	ACG
281426	GAGCTGGGACCACAGGCA	240	ACG
281427	CTTTGTATACAATCTTCCCTC	241	ACG
281428	GCGCCCAGCACCACGCC	242	ACG
281431	ACAGGTGTGAGCCACTGC	243	ACT
281432	GGGAGTCATGGAGGGTTT	244	ACT
281434	TAGAGACGGGGTTTCACTAT	245	ACT
281436	ACTGCAGTCTTGACCTTTTG	246	ACT
281437	TTTTTTTTCCAGAGACGGGGTCT	247	ACG
281437	TTTTTCCAGAGACGGGGTCT	248	ACG
281438	CGAAGCCCCAGACTCTGTGTA	249	ACT
281439	ACCCCTCCGGGTCAGCTCC	250	ACT
281440	TAATAAGCTGGACTCCGAGC	251	ACG
281440	TAATAAGCTGGACTCCGAGC	252	ACG
368835	AGACGTGAAGAGACACACCT	253	ACT
378395	GCCCGCGTCCTCCTCTCC	254	ACT
378395	GCCCGCGTCCTCCTCTCC	255	ACT
430092	ATTACAGGCATGAGCCACTG	256	ACG
473241	ATAATAAGCTGGACTCCGAGC	257	ACG
547878	GTGGGAGGATCACTTGAGC	258	ACG
827786	ACCCCTCCGGGTCAGCTCC	259	ACT
827787	TAATAAGCTGGACTCCGAGC	260	ACG

5

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
885743	GACCCCTCTCTCCCTCCA	261	CGT
885743	GACCCCTCTCTCCCTCCA	262	CGT
892188	TGGGCTGGAGCACAATGAC	263	ACT
901886	GAGTCCGCAGCTCTTTGAAC	264	ACT
923366	TTGCAAGACCCCGTCTCTG	265	ACT
923366	TTGCAAGACCCCGTCTCTG	266	ACT
1045384	CCAGTCCCCTGCTGTCTGT	267	CGT
1056538	GAGGGTGCCAGGCAGCTG	268	ACT
1057981	TACCTGGTGACCTTGAATGTGAT	269	ACG
1058154	CTTCCATCCTCATTTTTTTTTATT	270	ACT
1059840	GCTCAGAAGAGGTGCTTCAC	271	CGT
1059849	CAGAAGCCCGTCTGGGCT	272	ACG
1059849	CAGAAGCCCGTCTGGGCT	273	ACG
1333881	AGAGTCCGCAGCTCTTTGAAC	274	ACT
1799969	CCGAGACTGGGAACAGCC	275	ACG
1799969	CCGAGACTGGGAACAGCC	276	ACG
2075741	GGACCATGGTGCACAGCA	277	ACT
2228615	AGTAACCTGCGCAGCTGGG	278	ACT
2228615	GTAACCTGCGCAGCTGGG	279	ACT
2230399	GTTACCATGTTAGGGAGGAGA	280	ACT
2230399	ACCATGTTAGGGAGGAGA	281	ACT
2278442	GGACATTGAGGGTGAGCTAA	282	ACG
2278442	ACATTGAGGGTGAGCTAA	283	ACG
2291473	GGAGTGTCCCTGGACCCC	284	ACT
2304237	TGCGCTGCCAAGTGGAGG	285	ACT
2304240	GCTCAGTGTACTGCAATGGCTC	286	ACG
2304240	AGTGTACTGCAATGGCTC	287	ACG
2358581	CTTGCAGTGAGCCCAGATCG	288	CGT
2358583	AAGAGACACACCTAATTTGTGG	289	ACT
2569693	CGCGTGGATGTCAGGGCC	290	ACG
2569702	CAGACCTTGAACCAGATAGAA	291	ACT
2569702	ACCTTGAACCAGATAGAA	292	ACT
2569703	CTCCCAGACAGAGTGCATG	293	ACT
2569703	TCCCAGACAGAGTGCATG	294	ACT
2569707	GGCGAGTACGAGTGCGCA	295	ACT
2884487	AGAGACAGGGTCTCGCC	296	ACT
2916060	CTCCCTCTCGGTCCCGG	297	ACT
3093029	AGTTTCCTATCCCAGCC	298	ACT
3093030	CCAGAACCTCAGGGTATG	299	
3093032	CTTCTGTAAGTCTGTGGG	300	
3093033	GGGTTCAGGTCACACCC	301	ACG
3093035	TTCTGTCTCAAAAAACAAAGC	302	ACT
3176764	CCCGCCACTGCACTCCA	303	ACT
3176766	TCCTTCTGAGTTCTCCC	304	ACG

sd-196035

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
3176767	TGGATTCTACCTTTCCC	305	CGT
3176768	TGTTGATGCGTGGGTTGGGG	306	ACT
3176769	CGGGGTGGGTGGATCAA	307	ACT
3181049	ACTCCCTGCCCTGGCCC	308	ACT
3745261	GCAGCTGCACCGACAGTTC	309	ACT
3745263	TCGGCTGCCCGTGCCAAGTC	310	ACT
3745264	ATACCATGCCAGGCATT	311	ACT
FCH-0994	CCCAGGGTGACGTTGCAGA	312	ACG

Please amend Table 13 on page 90 as follows:

Table 13

dbSNP rs#	Second PCR primer	SEQ ID NO.	First PCR primer	SEQ ID NO.
1801714	ACGTTGGATGAGGGTTGCAGAGCAGGAGAA	313	ACGTTGGATGAGCCAAGGTGACGCTGAATG	314
2228615	ACGTTGGATGAGATGGTGACAGTAACCTGC	315	ACGTTGGATGTGGCATTTAGCTGAAGCTGG	316

Please amend Table 14 on pages 90 as follows:

Table 14

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
1801714	CCTTCAGCAGGAGCTGGGCCCTC	317	ACT
2228615	TAACCTGCGCAGCTGGG	318	ACT

Please amend Table 17 on pages 93-94 as follows:

Table 17

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
958	ACGTTGGATGATCCGCATGTGTCTGTATTC	319	ACGTTGGATGCCCAGTGCATTATGTCTTGG	320
1201	ACGTTGGATGTGCCAGTGCTCTGAAAACTG	321	ACGTTGGATGCCTGTGGTCTCTATTGCTTG	322
1201	ACGTTGGATGACAAGAATGCCAGTGCTCTG	323	ACGTTGGATGCCTGTGGTCTCTATTGCTTG	324
1202	ACGTTGGATGTAATCTCAGAATGGCAGCAC	325	ACGTTGGATGTCAAGCAATAGAGACCACAG	326
10305	ACGTTGGATGTTCAAGAATTATTTTATTGCAAGTC	327	ACGTTGGATGGGTGAAGCTTGAAAGCAAGC	328
729511	ACGTTGGATGTTAATGTAGTAAAAAGCACG	329	ACGTTGGATGCTAGAGATCGGTTTTACACC	330

7

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
934648	ACGTTGGATGACTGGTTGATACCATAGGAC	331	ACGTTGGATGTGTACTGCTTTCATCCTTGC	332
934648	ACGTTGGATGACTGGTTGATACCATAGGAC	333	ACGTTGGATGTGTACTGCTTTCATCCTTGC	334
1010778	ACGTTGGATGCAGAGGAAAGAAAACTGAAAG	335	ACGTTGGATGGGATTTGTTCTTAATCTTTC	336
1046706	ACGTTGGATGCAAATGGGAGTCAAGTCCTC	337	ACGTTGGATGTTTTGCTCCTAAGCTGAAGG	338
1436522	ACGTTGGATGGGAATTGAAATTGGCATTGC	339	ACGTTGGATGATTGGAAGGAGGAAGCATAG	340
1436524	ACGTTGGATGGAGTTGCCAGTAGCTTTGAG	341	ACGTTGGATGATTGTTTCCAGGGTGCTCTG	342
1436525	ACGTTGGATGGTGCAATCTTGGTTCACTGC	343	ACGTTGGATGGCTTACACTAGCTACTTGGG	344
1436527	ACGTTGGATGAGCACTGTGAGTTAAACCTG	345	ACGTTGGATGCTGTATAGAGAGCTGTTTGC	346
1436529	ACGTTGGATGCTATGGCAGCAGAAGAGTAG	347	ACGTTGGATGAATGTTGGACCACATGTACG	348
1469869	ACGTTGGATGCATGGCGAGGAAATCTGTTT	349	ACGTTGGATGTTCGATATATCAGAGCCTTG	350
1469870	ACGTTGGATGATACTGAGCTCCATTTTGGG	351	ACGTTGGATGATGGCACAGTTAGCATGTC	352
1541998	ACGTTGGATGGCCCATGTTAACATTTTCTTC	353	ACGTTGGATGCTGATTATTCTGATGGTAATG	354
1946733	ACGTTGGATGGCAGGAGGATAGATCTGTAG	355	ACGTTGGATGTAGCTTCTAAACATCTCTTG	356
2043648	ACGTTGGATGTGGCTTTCTGAATGCTAGAG	357	ACGTTGGATGAGGGCGGAATGATTTTTAGC	358
2043649	ACGTTGGATGGCACTACATGGGACACAAAG	359	ACGTTGGATGGGTCCTACTAGTCCCTGTATG	360
2043650	ACGTTGGATGGCTGAGGGAGAAATTGAGTG	361	ACGTTGGATGCTGTGCCTTGCACATAGTAG	362
2060588	ACGTTGGATGTTTCATTGCTCATGGATTAG	363	ACGTTGGATGGATAAGTATTGGCTTAATCTG	364
2118044	ACGTTGGATGAACAACTTGGCTAATTCTAC	365	ACGTTGGATGGTCATTGCCTCTAGCTAGTG	366
2164535	ACGTTGGATGACCAGCACTATTACCCATGC	367	ACGTTGGATGGAATGATGTAAACGTTGGAG	368
2164536	ACGTTGGATGGTGATGAAAACCATGTGAGC	369	ACGTTGGATGCTGGAGAACAAAAGACCACC	.370
2164537	ACGTTGGATGCAAGGCAAAATGTTTCCAGC	371	ACGTTGGATGAACACACTTAGTACCCACGC	372
2164538	ACGTTGGATGTACTGCAGAGCTCTCCCTTG	373	ACGTTGGATGAGAGGTCATCTTAATGGGCC	374
2282596	ACGTTGGATGTCATACTGATCAACCTGAAG	375	ACGTTGGATGGGGTGGCTTTGTGAAACCTTG	376
2282597	ACGTTGGATGGCATGGTTCTGTTATAAGGC	377	ACGTTGGATGACACTTGATTACAATGGCCC	378
2282598	ACGTTGGATGCACGCCTAAGCAATTAATGAC	379	ACGTTGGATGGGTGAATGAAGGAAAAGTAGC	380
2289490	ACGTTGGATGTGATTACTGGATTGGCTGGG	381	ACGTTGGATGAAATGCCCTGAAGACCCAGC	382
2289491	ACGTTGGATGGGAATGCATTGTAAACCAGG	383	ACGTTGGATGACCTAGCCTTGCAGGAGGAC	384
2575672	ACGTTGGATGATAGTGTTATCACATAGACC	385	ACGTTGGATGCTCCAGGAGCAAGGATTATG	386
2575674	ACGTTGGATGGTGGGTAACAGTTTTCAGGC	387	ACGTTGGATGCTCTCCTACTCTTTACTGTC	388
2575675	ACGTTGGATGTCGTACCTGCATAAGTGGTG	389	ACGTTGGATGTTGGGAAGGTACTAACAGCG	390
2575677	ACGTTGGATGGATGCCAATTTGGTTTGCCC	391	ACGTTGGATGGAAGGATAAGCCACAGTGAG	392
2575678	ACGTTGGATGCTTCAAGAGGCCATACAGAC	393	ACGTTGGATGAAGCACCATTTGTGGCTCAG	394
2575679	ACGTTGGATGCTTTCCTGCTGCATTTAGTG	395	ACGTTGGATGTAAGCCAGTAACACATGCCG	396
2575680	ACGTTGGATGGCCCTGAAGTTTTTGAATGG	397	ACGTTGGATGGAGCCCAATACAATCAGGTG	398
2575681	ACGTTGGATGTTCACTGCTAACATGCATGG	399	ACGTTGGATGTTATATAGCCTTCTTTTCTC	400
2589504	ACGTTGGATGGGATAGGAAACATATTAAGG	401	ACGTTGGATGCTGTGTGATTTGGACAACCC	402
2589505	ACGTTGGATGAGACTGTAGCCTAAATGAGG	403	ACGTTGGATGCATTTTATGAGAAGATGCAC	404
2589506	ACGTTGGATGGCAACTCAGCTAGCCTTTAC	405	ACGTTGGATGTGTTATGCGGGAGTATAAGG	406
2589509	ACGTTGGATGTGAATCATGGTTGCCTCCTG	407	ACGTTGGATGATACGCAGGTTGTAGAGAGG	408
2589514	ACGTTGGATGTATACATTGTCCTGATAGAG	409	ACGTTGGATGCTTAAATGTCTCTAGAAAAGG	410
2589515	ACGTTGGATGCACCTGTATACCAATTTGTAG	411	ACGTTGGATGGCCAAACCATTTTGTGCCTG	412
2589516	ACGTTGGATGCATACTCTGCCAAAGTTTTA	413	ACGTTGGATGACTCACACTGTGGTTTGGGG	414
2589518	ACGTTGGATGCCAGGCAAAAGAATGACCG	415	ACGTTGGATGAATGATATGCACCGATCTTC	416
2589523	ACGTTGGATGTCATGTAGCTAAACAAAGGC	417	ACGTTGGATGAGCAGGGTTAAATTTCCCAG	418
2589525	ACGTTGGATGAAGAACATTGAAAGAAGCAG	419	ACGTTGGATGGTATTTAAATTAGTGGTGTG	420
2869408	ACGTTGGATGTCCCAGTACCTAAGTAGCAG	421	ACGTTGGATGGCTTTGAATTACTCTGTCCC	422

sd-196035

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
3755970	ACGTTGGATGTACAACTAGTATCTACAGAC	423	ACGTTGGATGGTGACCATGTAGAAATCTGTG	424
3775164	ACGTTGGATGGAACATGAAAAATTCATAAGC	425	ACGTTGGATGAAGTTTCCCTGGTCGTGATC	426
3775166	ACGTTGGATGCTGTTTTTCACCCCCGATTC	427	ACGTTGGATGCTGAGGAGTCCATCATAGTG	428
3775167	ACGTTGGATGGAAACAAGCAGATGTCATGG	429	ACGTTGGATGGCTTCTGATTTTATATGGCAC	430
3775169	ACGTTGGATGGGGAGAGAATGGTTGCATAT	431	ACGTTGGATGATGCTGAACAACAGGATGGG	432
3775170	ACGTTGGATGCCTAAGACCTATGCTCTCAC	433	ACGTTGGATGCCCATTTTTGCTAGCAGGAG	434
3775173	ACGTTGGATGCAAGAGGGCTGCTTTAAACC	435	ACGTTGGATGTAAATTTGCAGAGGCCGTCG	436
3775176	ACGTTGGATGAAAAGGTCACCAGTGACCTG	437	ACGTTGGATGTAGTCCAAGTATTTCCCAAG	438
3775182	ACGTTGGATGGATATCTCCCTCCTATTGGC	439	ACGTTGGATGGCTGGACTCTATTAGGCCAT	440
3775183	ACGTTGGATGGATCTCTGATCTTAGACCAC	441	ACGTTGGATGTGCAGATATGTAGGCCAAGC	442
3775184	ACGTTGGATGGACCAGCAACCATGATGAAG	443	ACGTTGGATGGTTCTACTTTGACCACAGGC	444
3775187	ACGTTGGATGTAGCACCTTCAGGATCTTTC	445	ACGTTGGATGAATCATGATCCCAGGGCAAG	446
3822037	ACGTTGGATGGTAATCCATAAACTGTGGGAG	447	ACGTTGGATGTCCCACCCTGACTTCTTTGC	448

Please amend Table 18 on pages 94-96 as follows:

Table 18

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
958	TTATGTCTTGGTAGAGCC	449	ACG
1201	TCTATTGCTTGAAGAGAGAAAG	450	ACT
1201	TTGCTTGAAGAGAGAAAG	451	ACT
1202	CCACCTGCACCATCGCCAT	452	ACT
10305	AGCTAAATTGCAACAACA	453	ACG
729511	ATTGAACTGTATACTTAAAAATGC	454	ACT
934648	ACTCTCCCACTGAGCAAGC	455	ACT
934648	ACTCTCCCACTGAGCAAGC	456	ACT
1010778	TTGAAATACTGTTTGTTTCCCCAA	457	ACT
1046706	TCCTAAGCTGAAGGGAATGC	458	CGT
1436522	GAGGAAGCATAGATTTGGTGT	459	ACT
1436524	CCAGGGTGCTCTGGTTTAATT	460	ACT
1436525	GGCTTAAACCTGGGAGG	461	ACG
1436527	GAGCTGTTTGCATTTATAACTCA	462	ACG
1436529	ACCACATGTACGTAAGGGGA	463	ACT
1469869	AAACACCATCTACTCTGAAGAA	464	ACG
1469870	CTTATATTCTCTGTGGCACCAA	465	ACT
1541998	ATTATTCTGATGGTAATGATCCAG	466	ACG
1946733	CTAAACATCTCTTGAATATTCTG	467	ACG
2043648	TGATTTTTAGCTAAAGGGGACA	468	ACT
2043649	CCTCTTGTCTTATTATCCC	469	ACT
2043650	GCACATAGTAGTAGCTCA	470	ACT
2060588	ATTGGCTTAATCTGTACATCAATT	471	ACG

9

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
2118044	GTGGGGTTAGATATTATTTCCTGA	472	CGT
2164535	GATAAATGTGAGATTGAGAGA	473	CGT
2164536	CCTGTGTTCCTTTGTATTTATAT	474	ACT
2164537	CGGCTTCTACTCTCTTATTCA	475	ACT
2164538	GTCACATTCTTACCCTC	476	ACT
2282596	GAAACCTTGCATGAACT	477	CGT
2282597	CAGAAGCTACTTTTCCTTCA	478	ACG
2282598	AGGAAAAGTAGCTTCTGGG	479	ACG
2289490	GCTAGACTCCTGATACC	480	ACG
2289491	GGCTTGCTCCTGGTAATTTA	481	ACG
2575672	CAAGGATTATGTTAACCACT	482	ACG
2575674	TATTCACACCTGCCTTC	483	CGT
2575675	GTTCTTGCCTGGTTTAC	484	ACG
2575677	GGAATGAGGGCAACAGGA	485	ACT
2575678	TGTGGCTCAGGTCCAGG	486	ACT
2575679	CTTCCTGGACATTAAATTGT	487	ACT
2575680	GGATGCATGGTTTCTCTAAT	488	ACT
2575681	TTCTTTTCTCTTTTAGGAATCT	489	ACG
2589504	GTGCTAGGATCCTCAGT	490	ACG
2589505	GTTTTAGCATAATTGCTTCTTTA	491	ACG
2589506	GAGAAGAAACCTGCCCA	492	ACG
2589509	AGGGCTGCAGGGAAGAT	493	ACT
2589514	AGAAAAGGTTTTTAAAGTCCTC	494	ACG
2589515	GAAAACTGTTACCCACTC	495	ACT
2589516	GGTTTGGGGGTTTCATT	496	CGT
2589518	TGCACCGATCTTCAAATAAA	497	ACG
2589523	TTTCCCAGATTAATTATCAGATT	498	ACG
2589525	TTAGTGGTGTGACTTGCA	499	ACG
2869408	CGAATCTCTTTAACTGCTG	500	ACT
3755970	GGTTTCTTCTAAAACTGACCT	501	ACT
3775164	TTTTTTGGGATCTTGATATTTTTA	502	ACT
3775166	AACTTATGAAAGAATATGAAGGAT	503	ACT
3775167	TAAGAGAAGTCTTCAGTGCTT	504	ACG
3775169	GCAGAGATTTTTCAAAATCTCTAA	505	ACT
3775170	TTTTTAAAGCTGAAAATAAACCA	506	CGT
3775173	GCCGTCGAACAAATACT	507	ACT
3775176	TATTTCCCAAGTGCCCA	508	ACG
3775182	CTGTCAGTTGCCTTAGG	509	ACT
3775183	AGTCAAGACCAGCTGGG	510	ACG
3775184	CTCTTTCTTCTGATCCC	511	ACT
3775187	AGTGCATTACAGTGGTC	512	ACT
3822037	TTTGCTTATTTCATAGAAGGAAT	513	ACT

Please amend Table 21 on pages 100-101 as follows:

Table 21

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
471365	ACGTTGGATGTGAGTGACATTTGTGTCACC	514	ACGTTGGATGCGGAGGATCTGAACAACTTC	515
472795	ACGTTGGATGTCACCTGAGCATCAGACATG	516	ACGTTGGATGATAGTGGAAGGAGAAACGGG	517
484315	ACGTTGGATGGTTCTAATGTCACCCCTTCC	518	ACGTTGGATGCAATGTGGCAAATTCTCTGG	519
488277	ACGTTGGATGCACACATTCTTCTCAAGTGC	520	ACGTTGGATGGGAGGGACACAATTTAACTC	521
496251	ACGTTGGATGGGGGAGTCATTCCAATACCAG	522	ACGTTGGATGGGAGTGAAAGGTCATATTGG	523
502289	ACGTTGGATGATCACTGCAACCTCCACCTC	524	ACGTTGGATGTGTGGCATGAGCCTGTAATC	525
507079	ACGTTGGATGAAGCCTCAGATGAGGCATAC	526	ACGTTGGATGTCTGAAAGGGTTCAGGAAGG	527
512071	ACGTTGGATGCAAATCACCCCTGACAATTC	528	ACGTTGGATGACCAGCACACTCAGCTTTAG	529
519088	ACGTTGGATGTCACCTGAGGTCAGGAGTTG	530	ACGTTGGATGGAGGTTTCACCATGTTAGCCG	531
529055	ACGTTGGATGCTGCAGTTATCTGGGTGAGC	532	ACGTTGGATGCCAGAACGTGGCTTGTTGGG	533
534333	ACGTTGGATGCGTTGATGCACTGAAGGGAG	534	ACGTTGGATGAGAGGCTAAATGTTGGCAGG	535
536111	ACGTTGGATGTGTATCTGATCCCAGGTCAC	536	ACGTTGGATGATTGGTGTTAAGTGGCGTGC	537
536213	ACGTTGGATGTGAGGACCTCATTATTGGTG	538	ACGTTGGATGCTGAGCAATCGAACTGCTAC	539
571761	ACGTTGGATGAATATCCTAGGCTAGCAGTG	540	ACGTTGGATGGGTGCATAAATACATGAATAG	541
575326	ACGTTGGATGACAGAGAGGCTTGGTCATAC	542	ACGTTGGATGGGGTGCTTGGTTGTGATTCTC	543
575386	ACGTTGGATGATTCCTGCAGGTACTGTGTC	544	ACGTTGGATGTGAGCCCAAAACTACTGCTG	545
578886	ACGTTGGATGATGAAGTCTCGCTCTGTTGC	546	ACGTTGGATGAATCACTTGAACCCAGGAGG	547
602646	ACGTTGGATGTCTGGGACCGTTTACCGCA	548	ACGTTGGATGGGAGGAGACCCAGGGTATGAG	549
619424	ACGTTGGATGACCGGGAGCTCCCAGTCTG	550	ACGTTGGATGTGGGAATCGGTTGAGAGCCG	551
620722	ACGTTGGATGTAAGGCGCCTGCAGAGGCGA	552	ACGTTGGATGGCAGCAAAGAATTGCCCGGC	553
631755	ACGTTGGATGATTTGTAGCTTTGCCCCAGC	554	ACGTTGGATGTTTGTGAGCTCCAAGTTGGG	555
639690	ACGTTGGATGGCATTTTACCACCATGTGGTT	556	ACGTTGGATGCCTTCATGTTAATTCTGCCC	557
645039	ACGTTGGATGCCTCTGAGTTCCCTCAGTTT	558	ACGTTGGATGTTATCACCCTGCTGTCCTAC	559
664010	ACGTTGGATGTGGTACCTCCAGGTAAAATG	560	ACGTTGGATGTCCAGGCAGTCATTTTACCC	561
670232	ACGTTGGATGGAAGGTGGAGCAGACATTAG	562	ACGTTGGATGACCTTAGTTATACCAGGCAC	563
678454	ACGTTGGATGTTAAGCCAGTCCCCACAAGG	564	ACGTTGGATGTTCTCTGCGGAGGAAAGTGC	565
681516	ACGTTGGATGCTCCTCCTCAGAGGACTAAC	566	ACGTTGGATGAGCCCAAGGACTCATACAAC	567
683302	ACGTTGGATGACCACGCCTGGCTAATTTTG	568	ACGTTGGATGAAACATGGCGAAACCCGGTC	569
684174	ACGTTGGATGCTTTACTGAGTGGGCAAACG	570	ACGTTGGATGTCTAAGTGGAACTCAGCAGC	571
684846	ACGTTGGATGAAGTTCCTCTGGTGGACAAC	572	ACGTTGGATGACCACCAGATAAAATCCCTC	573
693208	ACGTTGGATGTTTTGACAGGGCTTGAGTCC	574	ACGTTGGATGGCTGAAAGCCCTCAATCTAG	575
831242	ACGTTGGATGCAATTGCTCAGACCTTCACC	576	ACGTTGGATGAATGCTAGAGACATTGCACC	577
831245	ACGTTGGATGCTAGAATTACAGGTGCACAC	578	ACGTTGGATGGCCAAGATGGTGAAACCTTG	579
831246	ACGTTGGATGCACAATCTGTTAGAATGGTGG	580	ACGTTGGATGCGTCAAGACTGAATGCATAG	581
831247	ACGTTGGATGGAAAATATAGTCCTACACAA	582	ACGTTGGATGCGTCAAGACTGAATGCATAG	583
831249	ACGTTGGATGTCTCCTAATGCTATCCCTCC	584	ACGTTGGATGAACACATGGACACAGGAAGG	585
831250	ACGTTGGATGAGGGACATGGATGAAATTGG	586	ACGTTGGATGAATTCCCACCTATGAGTGAG	587
831252	ACGTTGGATGTGGGTATATACCCAAAGGAC	588	ACGTTGGATGGGGTTGGTTCCAAGTCTTTGC	589
903950	ACGTTGGATGCTTCAGTTCAGGGAGAGATC	590	ACGTTGGATGATAGGGCCCCCAGCATAAAA	591
940054	ACGTTGGATGTGGTAGAGATGAGGTCTTGC	592	ACGTTGGATGAAAGGCAGGAGGATTGCTTG	593
940055	ACGTTGGATGTATGCTTCCAGTCTCTGACC	594	ACGTTGGATGATAGGTAATCCAGTTGGGCC	595
1353566	ACGTTGGATGGGGTGTACTCTGCCATTTGTC	596	ACGTTGGATGTGGAGGAGGTTCTAGTACCC	597
1390831	ACGTTGGATGGTCTGCCAAAGTTCCCTTAG	598	ACGTTGGATGAGGAAAGGGAAGAGAAACCG	599

11

sd-196035

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
1403452	ACGTTGGATGCAGAAGTTAGGATGCAGATG	600	ACGTTGGATGCCAGTAGAGATAGAATTTTGG	601
1502761	ACGTTGGATGCAGAAATATGAAGGTGGCCC	602	ACGTTGGATGACCTTGAGCTCTGAGCCCTT	603
1629673	ACGTTGGATGAAGGATCACGTGAAGTCAGG	604	ACGTTGGATGGGCACCATGTGTGGCTAATT	605
1813856	ACGTTGGATGTCTGACTCCCTGATTCAAGC	606	ACGTTGGATGACAAAAATTAGCCGGGCGTG	607
1983421	ACGTTGGATGTCCAGGTGTTATGGAGTCAG	608	ACGTTGGATGGGCTTCTTGTGCTGCTGTGT	609
2001449	ACGTTGGATGATGTCAAGTGCACCCACATG	610	ACGTTGGATGAGGAAGAAACTGACGGAAGG	611
2017340	ACGTTGGATGTATTCCACTGCCTGCTTTCC	612	ACGTTGGATGGAAAACAGGAGGAAGTGGTG	613
2030578	ACGTTGGATGTTCTCCACTTTCTGGTCAAC	614	ACGTTGGATGAACAACCTTACTTCATGCCC	615
2049280	ACGTTGGATGCTTCCCAACATTTTCGGCTC	616	ACGTTGGATGTGGATACTGAGGGTCAACTG	617
2103062	ACGTTGGATGTGCAGCCCTCAACCTTTCAG	618	ACGTTGGATGCCTTATTCAGTTACTATTACG	619
2272115	ACGTTGGATGAGTTGTGAGTGATTTCAGGG	620	ACGTTGGATGCAGGCCTTCTTGCTCTTATC	621
2272116	ACGTTGGATGATCTGTTGCCTTAGGTTCAC	622	ACGTTGGATGCTGTGCCTTCTGAGTAGTTC	623
2314415	ACGTTGGATGGGCTGAGTAACAGTCCATTG	624	ACGTTGGATGCTTACAGTATCCAAAAAGGG	625
2314730	ACGTTGGATGCTCAGGTAATCTGCCTTCTC	626	ACGTTGGATGCAGGGATAATGAGAACAAATC	627
2653845	ACGTTGGATGATCACTTGGACTCAGGAAGC	628	ACGTTGGATGAGTCTTGCTCTGTTTCCAGG	629
3732603	ACGTTGGATGCTCTCAATTCCATCAGTCTC	630	ACGTTGGATGCTTTACGAATTTCACAACAGG	631
3811728	ACGTTGGATGACGCGCCACACCTCCCTAC	632	ACGTTGGATGACGTGTCGGTCCCCTTTCAT	633
3811729	ACGTTGGATGTGGGCGAGGTTCTGCAGCGT	634	ACGTTGGATGGGTTTCGTTTCTCCGGCACAG	635
3811731	ACGTTGGATGTGCGGTAAACGGTCCCAGAG	636	ACGTTGGATGAACTCCGCCGGCCCCCTCCTA	637
3821522	ACGTTGGATGAACCCGCACTACAAGATTCC	638	ACGTTGGATGGTCAGTCCCACATTCAGAAC	639

Please amend Table 22 on pages 101-103 as follows:

Table 22

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
471365	TCCAAAACCACCAGATAAAATC	640	ACT
472795	GACATGTCCCTCTCGGCCT	641	ACG
484315	GGTATCAGGAAGAGTCA	642	ACT
488277	AGTGCACACAGAACATTTAACA	643	ACT
496251	GTATTGTCCTCCAGTGA	644	ACG
502289	CTGTAATCCCAGCTACTC	645	ACT
507079	GGCAATGTTTGCCCTTT	646	ACG
512071	CCCTGACAATTCCAAAACTAA	647	ACG
519088	TTTCGCCATGTTTGCCAGG	648	ACG
529055	GAGCAGGCAGCACAAGT	649	ACT
534333	GGGAGAAAGTAACAGGGTC	650	ACT
536111	GTGAAGGTCTGAGCAAT	651	ACG
536213	TGGTGTTAAGTGGCGTG	652	ACG
571761	CTAGGCTAGCAGTGGGGTTG	653	ACT
575326	TGGTCATACCCTTCAAG	654	ACT
575386	GAAGGGTATGACCAAGC	655	ACT

sd-196035

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
578886	TGAGCCAAGATCATGCC	656	CGT
602646	CCAGGGTATGAGCGGAGGA	657	ACT
619424	TGCGGCCCCGCCGGGTT	658	ACT
620722	GAATTGCCCGGCTCCGAAT	659	ACT
631755	TCCAAGTTGGGTCAAAG	660	ACT
639690	CTGCTATTCATTTGTGTAGA	661	ACT
645039	CCCTCAGTTTTTATTGATTATT	662	ACT
664010	ACCTCCAGGTAAAATGATTAGTT	663	ACT
670232	TGGGCAAACAAGCCCAT	664	CGT
678454	CAGGGATGGTAATTGAC	665	ACG
681516	GGCCACCTTCATATTTC	666	ACG
683302	CAGGAGATCCAGACCATCCC	667	ACG
684174	CTCTGATGTTACCTCCTCC	668	ACT
684846	AGTTGTTCAGATCCTCC	669	ACT
693208	TCAATCTAGTGATAAGGAGGGT	670	ACT
831242	CAGGTGGATGGGGACAC	671	ACT
831245	CACACCACCACGCCCGGCT	672	ACT
831246	AGAATGGTGGTGTATTTTTAC	673	ACT
831247	TAGTCCTACACAATCTGTTA	674	ACT
831249	GCTATCCCTCCCCCCTTCCC	675	ACG
831250	GACAAAAAACCAAACACC	676	ACT
831252	CTATAAAGACACATGCACAC	677	ACT
903950	AGATCACATTGCCAACCCCCA	678	CGT
940054	AAAGTAGCAGTTTGAGACCA	679	ACT
940055	GTCTCTGACCACTTGACCCA	680	ACT
1353566	TTGTCAGTTATGAGACCTTG	681	CGT
1390831	GGTTAGGAAGAAATCTGTG	682	ACT
1403452	CACAGATGCTCATGGGTCC	683	ACT
1502761	GGAGGAGGCACTATTAAT	684	ACT
1629673	TGTGGAGACAAGGTCTCACT	685	ACT
1813856	TCAAGCGATTCTCCTGC	686	ACG
1983421	GGCAGGGAAGAGAAGAGC	687	ACT
2001449	CACATGCCTGCTCGCCCCC	688	ACT
2017340	CCCTAAAGCATCTCACAGCCCC	689	ACT
2030578	TCATGCCCATTGGGTTAG	690	ACT
2049280	GGGTCAACTGTACCAAG	691	ACG
2103062	GAGATCATTTCTCCTTCAAC	692	ACT
2272115	ATACCTCAGAATACAGCTTTTTTT	693	ACG
2272116	TCTCATTTCTCCTCTCTTTC	694	ACG
2314415	TAGTTGATGAAGATTTGGG	695	ACT
2314730	TCCTTCTTCTCTGCTTT	696	ACT
2653845	AAGCGGAGGTTGCAGTGAGC	697	ACG
3732603	CTCATTTCCACCCTTCT	698	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
3811728	GTCCCCTTTCATCTAAAC	699	ACT
3811729	TCTGCAGCGTGCGGCGA	700	ACT
3811731	CCTACCCCTACGGAGCC	701	ACT
3821522	GCATCTTCAGGAATCTTG	702	ACT

Please amend Table 24 on page 105 as follows:

Table 24

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
rs7639705	ACGTTGGATGTGTCAGAAAGCAAACCTGGC	703	ACGTTGGATGTTACAGGCATTGGAGACAGC	704
rs2293203	ACGTTGGATGCTGCATAATGGTGGCTTTGG	705	ACGTTGGATGTGTGGGTGTTCACTTTGCAG	706
rs3732602	ACGTTGGATGCCCTCTTGTCAGGAAGTTCT	707	ACGTTGGATGGAGACAGAGTTGAACTCCCG	708
rs2001449	ACGTTGGATGAGGAAGAAACTGACGGAAGG	709	ACGTTGGATGATGTCAAGTGCACCCACATG	710
rs6804951	ACGTTGGATGAAGATACGAATGGAGCCTGG	711	ACGTTGGATGGCAATAGGACTCCCTTTACC	712

Please amend Table 25 on pages 105-106 as follows:

Table 25

dbSNP rs#	SEQ ID NO.	Extend Primer	Term Mix
rs7639705	713	TGATGCACGTGGAGCAG	CGT
rs2293203	714	GCCCCTGGAAAAGGCCC	CGT
rs3732602	715	GGAAGATGATGAGACTAAAT	ACG
rs2001449	716	CACATGCCTGCTCGCCCCC	ACT
rs6804951	717	TCCCTTTACCTTCATGG	ACG

Please amend Table 28 on pages 108-109 as follows:

Table 28

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
744293	ACGTTGGATGTCTGCAGACAGTGGCCAATG	718	ACGTTGGATGAGGGCCCAGGATCACAATAG	719
750789	ACGTTGGATGTTCATCTGGTAAGTCCCACC	720	ACGTTGGATGTGAAACAAGAGAGGCCCTTC	721
1939110	ACGTTGGATGTCTTTAGGTCCAGGATTCCC	722	ACGTTGGATGTATAGTCAGCATCGTCCCTG	723
2005192	ACGTTGGATGCCCTCAGAGTTTGGACATAT	724	ACGTTGGATGTATCCAAAATGCAGACACAG	725
SNP00004859	ACGTTGGATGGTGTTTATCCCAACCCTTCC	726	ACGTTGGATGGGGAGGAAATACAGCCTGTTC	727
744292	ACGTTGGATGATCCTAGAGGACTGGGAAAG	728	ACGTTGGATGCTGCTTCTGTTCCCACAATG	729
754490	ACGTTGGATGAAGGGTGGAGAACTCATGGG	730	ACGTTGGATGACCCCTATTTTGAAGCAGGC	731

sd-196035

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
872619	ACGTTGGATGTTCACACCAAGGTGTTACTG	732	ACGTTGGATGCACAATAATGTGTTCAGGGC	733
1807014	ACGTTGGATGCTGGGCAACAAGAGTGAAAC	734	ACGTTGGATGGCCCAAAACCACTGAGATTC	735
1815753	ACGTTGGATGTAGAGTGAAGACAGAGCTCC	736	ACGTTGGATGATAAACCCAGGCATTCGAGC	737
1892893	ACGTTGGATGTCCTATGAAGATTCATCTGC	738	ACGTTGGATGGTCCAGAGTTTTAGACTCAAG	739
1939111	ACGTTGGATGTCCTTAACCTTATTGGTGGC	740	ACGTTGGATGGTTGGGTTCAGTAGAAGAGA	741
1939112	ACGTTGGATGAGCCACCAATAAGGTTAAGG	742	ACGTTGGATGTGTCTCTCACTTCCTCAACC	743
1939113	ACGTTGGATGAGACACACAAGGCAAGGTTC	744	ACGTTGGATGCCAGAGAGGAGTCTGTCTAG	745
1939114	ACGTTGGATGGAAAACATTGGTCCAGGCAG	746	ACGTTGGATGCAAGAACCCAGGCATCAATG	747
1939115	ACGTTGGATGGACCACGGAATCCTTTTTTCA	748	ACGTTGGATGGCTCAAATTCTGTTCTTTAG	749
1939116	ACGTTGGATGACATAGGTAGTCAGGCACTC	750	ACGTTGGATGGCAGCTCTTTTTTTCCTACC	751
1939117	ACGTTGGATGGGGGAACTTTTCACATTACAC	752	ACGTTGGATGGAGAGTTTGCATTTGGTGATC	753
1939118	ACGTTGGATGATGTTGCTGTATGGTCCTCC	754	ACGTTGGATGGAAAACATTGCGCTAGGCAC	755
1954769	ACGTTGGATGTGAGTGACCAAGTTGCTCTG	756	ACGTTGGATGTCTACCTTCATGATGTCCCC	757
2000537	ACGTTGGATGGGGTCTTTTATGAGGTTTCTCC	758	ACGTTGGATGGTTAAACTTACAAATCTAGC	759
2011913	ACGTTGGATGGCTGAGTGTGGATTGCTCTG	760	ACGTTGGATGAGTAAACCAACACCCAGAAC	761
2015747	ACGTTGGATGTGAAGCAGGCTTTCCCAATG	762	ACGTTGGATGGGGTAGTGAAGGGTGGAGAAC	763
2105587	ACGTTGGATGAAGAAATACCAGGCCGGGAG	764	ACGTTGGATGCTCAAGTATCCTCCCTTCTC	765
2155081	ACGTTGGATGAGGCAATGCTTCCATTGTTC	766	ACGTTGGATGTCATAGCATTTTACCCCTGG	767
2186617	ACGTTGGATGGCTACATATGGATCTTGGTC	768	ACGTTGGATGGACCAGCACTAACTCTAAAC	769
2508423	ACGTTGGATGCTCCTCTGTAAAACCAGGAC	770	ACGTTGGATGAGAAACTCTCCTAAGCACAC	771
2511880	ACGTTGGATGGTTCCCTGATGGAAAATGCC	772	ACGTTGGATGCCAGAATGCCTTATCCACAG	773
2511881	ACGTTGGATGTGACTCTGCTGTGAGATTGG	774	ACGTTGGATGACATCGGTTTCACCTCCAAC	775
2512990	ACGTTGGATGAGCCAGCAGAGAAAACAGTC	776	ACGTTGGATGGCCACTTACTACCTGTTGTC	777
2555537	ACGTTGGATGGGACATAACCATAGGCCATC	778	ACGTTGGATGCATTGACAGCTGTATTGCAC	779
3016250	ACGTTGGATGTTTTTGAGACGGAGTCTCGC	780	ACGTTGGATGAGGCAGGAGAATGGCGTGAA	781
3016251	ACGTTGGATGAGCTTGCAGTGAGCCGAGAT	782	ACGTTGGATGTTTTTGAGACGGAGTCTCGC	783
3016252	ACGTTGGATGTGGTGAAGAGAAGTCAAAGC	784	ACGTTGGATGAGGCTGAATGATTCCCCTTC	785
3781614	ACGTTGGATGTGGTCAGTCAGTTAGCCAGG	786	ACGTTGGATGCCCTAATGATGGTAGACTGC	787
3809048	ACGTTGGATGACCACCAAGATAACGACCGC	788	ACGTTGGATGAGCCACCTCCTTGTCCAGTG	789
4128368	ACGTTGGATGGGACAATATTTAGTTATGCAC	790	ACGTTGGATGTTCAAGGTCATCCCGTTATC	791

Please amend Table 29 on pages 109-110 as follows:

Table 29

dbSNP rs#	SEQ ID NO.	Extend Primer	Term Mix
744293	792	GATGGCCCAGTTCCCTGCC	ACG
750789	793	AGAGGCCCTTCCAGGGCT	ACT
1939110	794	CGTCCCTGACCTGGACTTA	ACG
2005192	795	AATGCAGACACAGTTCTGGG	CGT
SNP00004859	796	CTGAAAAATAGCTAGTTC	ACG
744292	797	ACTCACCTCTACCCATAAGG	ACT
754490	798	TTGAAGCAGGCTTTCCCA	ACT

15

872619	799	TGTGTTCAGGGCTTTCTCAT	ACT
1807014	800	GTGTTTTTTTTTTCCCCC	ACG
1815753	801	CAGGCATTCGAGCCAGCAAT	ACT
1892893	802	ATGTTTTATTCTTTCACAAAAGT	ACT
1939111	803	GGAGGAGGCAGTAAGGAA	ACT
1939112	804	CTTCCAACTTTTTTCTCTTG	ACT
1939113	805	GTCTAGTCCTCCAAGCC	ACG
1939114	806	ATCAATGGGGTGGTGCA	ACT
1939115	807	TCTGTTCTTTAGAAGGCT	CGT
1939116	808	TGTACCAATATGACAATTTAACC	ACT
1939117	809	CCTGACACATAGTTCATGCTC	ACT
1939118	810	GCTAGGCACAAAATTAAAGAGAT	ACT
1954769	811	TCCCCGCCTTTCCCTCC	CGT
2000537	812	ACAAATCTAGCACCGAAGG	ACT
2011913	813	ATATAAGCAATTCACAAGTAATGT	ACT
2015747	814	AAGGGTGGAGAACTCATGG	ACT
2105587	815	TATCCTCCCTTCTCAGCAAG	ACT
2155081	816	CATTTTACCCCTGGATTATA	ACT
2186617	817	CTCAACCTCAACTCAACT	CGT
2508423	818	TCTCCTAAGCACACTATGTATAT	ACG
2511880	819	AGGATATTAGTCATGCTGGG	ACT
2511881	820	CACCTCCAACACGGTCCCC	CGT
2512990	821	GTTGTCTTCCCAACTCC	ACT
2555537	822	ACTGTGGACATTGGTGT	ACT
3016250	823	GGCGTGAACCCGGGAGG	ACG
3016251	824	CTGTCGCCCAGGCCGGA	ACT
3016252	825	GATTCCCCTTCTTCTAAA	ACT
3781614	826	TAGACTGCAGAGTAGCA	ACT
3809048	827	TGGGCCTACTTCCCTGA	ACT
4128368	828	TTTTCATCACATAGCTCATCT	CGT

Please amend Table 36 on page 120 as follows:

Table 36

siRNA	siRNA Target	Sequence Specificity	SEQ ID NO.
ICAM1_293	ICAM1	ACAACCGGAAGGUGUAUGA	829
ICAM1_335	ICAM1	GCCAACCAAUGUGCUAUUC	830
ICAM1_604	ICAM1	GAUCACCAUGGAGCCAAUU	831
ICAM1_1409	ICAM1	CUGUCACUCGAGAUCUUGA	832
siRNA_RAD21_1175 positive control	RAD21	GAGUUGGAUAGCAAGACAA	833
siGL2 negative control	GL2	CGUACGCGGAAUACUUCGA	834

sd-196035